

Simulando el crecimiento tumoral para obtener tratamientos más eficaces

Angélica Inés Partida Hanon

Grado en Biología, Universidad Complutense de Madrid.
DNAngelica@gmail.com

Said Infante Gil

Colegio de Postgraduados en Ciencias Agrícolas.
Km 36.5. Carretera México-Texcoco. Texcoco, México, 56230
said@colpos.mx

Resumen: Ante una mejora de las técnicas de detección de diversas enfermedades, nos vemos obligados a mejorar el instrumental tecnológico a una gran velocidad. Estamos ante una necesaria automatización en las pruebas bioquímicas que reducirán el coste de los ensayos y el tiempo de espera de los resultados; aumentando así las posibilidades de encontrar un diagnóstico certero que salvaría la vida de muchos pacientes.

¿Qué métodos numéricos pueden ser utilizados para diagnosticar y prever el avance de un tumor? ¿Qué sistemas hemos desarrollado para detectarlo a tiempo? ¿Son infalibles? Estas y muchas más preguntas son las que resolveremos a lo largo de nuestra investigación.

Palabras clave: Bioinformática, Biomatemática, Cáncer, Tratamiento.

[Oral](#)

Recibido: 11 marzo 2012.

Aceptado: 13 abril 2012.