

Comparación de diversos métodos de extracción de ARN para determinar la expresión génica viral en cetáceos.

Laura Espinosa Montalbán

Avenida Puerta de Hierro s/n 28040 Madrid (Facultad de Veterinaria, Universidad Complutense de Madrid).
lauravet_87@hotmail.com

Fernando Esperón Fajardo¹. José Manuel Sánchez-Vizcaíno Rodríguez².

1. Carretera Algete-El Casar de Talamanca km.800, 28130 Valdeolmos. Centro de Investigación en Sanidad Animal. 2. Avenida Puerta de Hierro s/n, 28040 Madrid. Facultad de Veterinaria. Universidad Complutense de Madrid.

esperon@inia.es jmvizcaino@visavet.ucm.es

Resumen: Los cetáceos son uno de los mejores organismos centinelas de los ambientes marinos, por presentar una elevada esperanza de vida, hallarse en lo alto de la cadena trófica y poseer un elevado nivel de reservas grasas, sirviendo de depósito para contaminantes antropogénicos. Uno de los procesos más relevantes que se observan en los cetáceos de vida libre son las infecciones virales. La forma más usual de valorar el estado sanitario en estas poblaciones es mediante el estudio de los animales varados en las costas. Esto proporciona una imagen fija sobre la salud del animal, sin poder conocer el origen y evolución de la infección. Por todo ello, las herramientas moleculares son de especial importancia en el diagnóstico y estudios de patogénesis del virus, siendo los de expresión génica los que se emplean cada vez más. Éstos permiten conocer la presencia molecular del virus y la potencial actividad del mismo mediante la determinación del ARN mensajero. El objetivo de este trabajo es evaluar la eficiencia de diversos métodos de extracción de ARN, para los estudios de expresión génica en cetáceos. Se valoraron cinco protocolos para la extracción y purificación de ARN: *Tripure Isolation Reagent*, *QuickGene*, *DNA-Free RNA Kit*, *Speedtools Total RNA Extraction Kit* y *AxyPrep™ Multisource Total RNA Miniprep Kit*. Los estudios preliminares indican que el protocolo *AxyPrep™ Multisource Total RNA Miniprep Kit* es el más eficiente en la extracción del ARN mensajero pero se necesitan más pruebas para poder relacionar la cantidad y funcionalidad del mismo.

Palabras clave: Purificación. ARN. Génica. Herpesvirus. RT-PCR

Oral

Recibido: 11 marzo 2012.

Aceptado: 13 abril 2012.