

## Desarrollo de una técnica de PCR con cebadores específicos para la detección de especies de *Arcobacter* de origen alimentario

**Samuel Fernández Tomé**

Licenciado en Veterinaria. Facultad de Veterinaria. Departamento de Nutrición, Bromatología y Tecnología de los Alimentos. Avenida Puerta de Hierro s/n 28040. Universidad Complutense de Madrid. Madrid  
[samuelfernandez@hotmail.com](mailto:samuelfernandez@hotmail.com)

**Isabel González Alonso. Rosario Martín de Santos.**

Facultad de Veterinaria. Departamento de Nutrición, Bromatología y Tecnología de los Alimentos. Avenida Puerta de Hierro s/n 28040. Universidad Complutense de Madrid. Madrid  
[gonzalzi@vet.ucm.es](mailto:gonzalzi@vet.ucm.es)

**Resumen:** Introducción: las bacterias del género *Arcobacter*, antes clasificadas como *Campylobacters* aerotolerantes, son patógenos emergentes que se consideran responsables de un número creciente de enteritis humanas de transmisión alimentaria. *Arcobacter butzleri*, *A. cryaerophilus* y *A. skirrowii* son las especies que poseen mayor interés desde el punto de vista de la salud pública. Asimismo, en los últimos años se han descrito nuevas especies de *Arcobacter* cuyo potencial patógeno no está aún esclarecido. El objetivo de este trabajo de investigación ha consistido en el desarrollo de una técnica de PCR para la detección de todas las especies de *Arcobacter* de importancia alimentaria. Material y Métodos: se diseñó una pareja de cebadores en el gen 16S ARNr que delimitan un fragmento de 85 pb específico del género *Arcobacter*. Como control positivo de amplificación, se empleó otra pareja de cebadores diseñada para amplificar un fragmento bacteriano conservado de 290 pb en este mismo gen. La funcionalidad y especificidad de los cebadores se comprobó mediante el análisis por PCR del ADN extraído de cultivos puros de las siguientes especies de *Arcobacter*: *A. butzleri*, *A. cryaerophilus*, *A. skirrowii*, *A. cibarius*, *A. trophiarum*, *A. thereius*, *A. mytili*, *A. defluvii*, *A. ellisii* y *A. molluscorum*. Asimismo, se analizó el ADN de varias especies de *Campylobacter*, *Helicobacter* y otras bacterias de importancia alimentaria. Resultados: la técnica de PCR descrita permitió la detección de todas las especies de *Arcobacter* objeto de estudio, no originando señal de amplificación en especies afines de *Campylobacter* y *Helicobacter*, ni en otras bacterias de importancia alimentaria.

**Palabras clave:** *Arcobacter* spp. PCR. Gen 16S arnr.

Oral

Recibido: 11 marzo 2012.  
Aceptado: 13 abril 2012.